

黏玉米品种哈黏1号的选育

高明波 (哈尔滨市农业科学院,黑龙江哈尔滨 150070)

摘要 哈黏1号是哈尔滨市农业科学院于2007年以自选自交系母本404和父本651杂交选育而成。2012年1月通过黑龙江省品种审定委员会审定,审定编号2012042。该品种外观品质优良,果皮薄,黏度高,适口性佳,丰产性较好。出苗至成熟生育日数110 d左右,需≥10℃活动积温2 250℃左右,适宜于黑龙江省第1~4积温带作鲜食和速冻加工种植。

关键词 黏玉米;哈黏1号;选育

中图分类号 S513 **文献标识码** A **文章编号** 0517-6611(2013)31-12269-02

哈黏1号是哈尔滨市农业科学院于2007年以自选自交系母本404和父本651杂交选育而成。2012年1月通过黑龙江省品种审定委员会审定,2009~2010年区域试验平均产量6 203.9 kg/hm²,较对照品种垦黏1号增产10.75%;2011年生产试验平均产量6 265.4 kg/hm²,较对照品种垦黏1号增产6.10%。为此,笔者介绍其选育过程、特征特性、栽培要点。

1 亲本来源及选育过程

1.1 母本来源 母本自育自交系404是1998年从地方品种和黏玉米杂交种杂交作为基础材料,经南繁北育自交选育而成。该品种生育期92 d,生育日数需≥10℃活动积温2 100℃左右,叶片绿色,幼苗整齐,株高175 cm,穗位高65 cm,雄穗较好,分枝8~10个,花药黄色,花丝绿色,果穗圆柱形,穗长15.0 cm,穗粗4.0 cm,穗轴白色,穗行数12行,子粒金黄

色,百粒重19 g。

1.2 父本来源 父本自育自交系651是2000年从地方品种和黏玉米杂交种垦黏1号杂交作为基础材料,经南繁北育自交选育而成。该品种生育期88 d,生育日数需≥10℃活动积温2 000℃左右,叶片绿色,幼苗整齐,株高170 cm,穗位高70 cm,雄穗发达,分枝10~12个,花药黄色,花丝绿色,果穗圆柱形,穗长13.0 cm,穗粗4.2 cm,穗轴白色,穗行数14行,子粒金黄色,百粒重16 g。

2 产量表现

由表1可知,2009~2010年区域试验哈黏1号平均产量6 203.9 kg/hm²,较对照品种垦黏1号增产10.75%;2011年生产试验哈黏1号平均产量6 265.4 kg/hm²,较对照品种垦黏1号增产6.1%。

表1 2009~2011年特种鲜食玉米品种哈黏1号异地鉴定试验汇总

年份	试验点	播种期	出苗期	吐丝期	采收期	株高 cm	穗位高 cm	穗长 cm	穗行数	子粒产量 kg/hm ²	较垦黏1号 增产//%
2009	呼兰护路	04-28	05-13	07-17	08-09	240	85	21.0	16	6 231.4	12.0
	双城韩甸	05-01	05-14	07-16	08-09	238	80	20.5	18	6 048.5	10.8
	阿城	05-03	05-14	07-17	08-09	235	83	19.5	16	6 349.5	14.5
	松北化家	05-02	05-15	07-18	08-11	237	84	21.0	18	6 816.5	19.0
	巴彦兴隆	05-09	05-22	07-23	08-16	245	88	21.0	16	6 258.7	10.5
	平均									6 340.9	13.0
2010	呼兰护路	04-28	05-13	07-16	08-08	240	80	20.0	14	5 651.7	7.0
	双城韩甸	04-28	05-13	07-16	08-08	235	85	19.0	12	5 817.9	10.0
	阿城	05-02	05-17	07-18	08-11	240	85	20.0	14	5 790.3	9.0
	松北化家	05-05	05-17	07-21	08-13	245	90	21.0	14	5 956.5	12.1
	垦丰种业	05-01	05-14	07-17	08-10	269	100	20.2	14	6 200.3	5.6
	肇东德农	05-07	05-20	07-22	08-15	246	85	21.0	12~14	6 978.2	7.3
2011	呼兰护路	05-13	05-23	07-13	08-07	235	85	20.0	16	5 720.0	8.0
	双城韩甸	05-13	05-23	07-13	08-07	240	87	21.0	16~18	5 886.0	11.0
	阿城	05-15	05-25	07-15	08-09	237	85	20.0	16	5 831.0	9.5
	松北化家	05-15	05-25	07-15	08-09	245	90	21.5	16	5 941.0	11.3
	垦丰种业	05-04	05-20	07-10	08-04	295	105	20.2	12~14	6 051.0	-7.6
	肇东德农	05-09	05-21	07-15	08-09	278	117	23.3	12~14	8 163.8	5.2
平均											6 265.5
											6.1

3 品种特征特性

3.1 主要农艺性状 幼苗期第1叶鞘紫色,叶片绿色,茎绿

色;株高235.0 cm,穗位85.0 cm,果穗呈筒形,穗轴白色,成株叶片数16,穗长21.2 cm,穗粗4.5 cm,穗行数12~14行。

3.2 品质 子粒含粗蛋白13.40%,粗脂肪5.43%,粗淀粉68.17%,支链淀粉99.63%,容重690 g/L。

3.3 抗病性 大斑病3级;丝黑穗23.5%。在适应区,出苗

作者简介 高明波(1978-),男,黑龙江哈尔滨人,高级农艺师,从事玉米育种研究。

收稿日期 2013-09-07

至成熟生育日数 110 d 左右,需 $\geqslant 10^{\circ}\text{C}$ 活动积温 2 250 $^{\circ}\text{C}$ 左右。

3.4 其他特性 哈黏 1 号外观品质优良,果皮薄,黏度高,适口性佳,丰产性较好。种子拱土能力强,幼苗健壮,植株保绿性好,子粒灌浆速率快。

4 适宜种植区域

黑龙江省第 1~4 积温带作鲜食和速冻加工种植。

5 栽培要点

5.1 播种、育苗、定植期 黑龙江省 4 月 25 日以后播种,选择中等肥力以上地块种植。

5.2 适宜种植方式与栽培密度 采用垄作栽培方式,密度 45 000~52 500 株/ hm^2 。

5.3 施肥方法及施肥量 底肥:磷酸二铵 150~200 kg/ hm^2 、硫酸钾 75 kg/ hm^2 、硫酸锌 15 kg/ hm^2 ;追肥:拔节前追施尿素

225~300 kg/ hm^2 ^[1-3]。

5.4 田间管理及收获 及时间苗和定苗,在生长期保证 3 铲 3 耙,注意防治玉米螟等病虫害。最适宜采收期为吐丝后 22~26 d。

5.5 其他 育苗期在 4 月 15 日左右最佳,定植期在 5 月 15 日左右最佳。

5.6 注意事项 隔离种植,该杂交种种植区外缘应与其他玉米距离 300 m 以上,时间隔离播种期应不少于 30 d。

参考文献

- [1] 唐贵,隋冬华,唐克.早熟玉米新品种海玉 12 的选育[J].黑龙江农业科学,2013(8):171~172.
- [2] 李波,陈喜昌,张宇,等.玉米新品种江单 4 号的选育及栽培技术[J].黑龙江农业科学,2009(1):154~155.
- [3] 魏国才.早熟春玉米新品种绥育 17 的选育研究[J].作物杂志,2008(2):15~17.
- [4] KALENDAR R,FLAVELL A J,ELLIS T H,et al. Analysis of plant diversity with retrotransposon-based molecular markers [J]. Heredity (Edinb), 2011,106(4):520~530.
- [5] TORRES-MORÁN M I,ALMARAZ-ABARCA N,ESCOTO-DELGADILLO M. Review Article: ISTR, a Retrotransposons-Based Marker to Assess Plant Genome Variability with Special Emphasis in the Genera Zea and Agave[J]. American Journal of Plant Sciences,2012,3:1820~1826.
- [6] WESSLER S R,Turned on by stress. Plant retrotransposons[J]. Curr Biol,1996,6(8):959~961.
- [7] BENNETZEN J L.Transposable elements,gene creation and genome rearrangement in flowering plants[J]. Curr Opin Genet Dev,2005,15(6):621~627.
- [8] CAPY P,GASPERI G,BIEMONT C,et al. Stress and transposable elements:co-evolution or useful parasites[J]. Heredity (Edinb), 2000,85 (Pt 2):101~106.
- [9] CIVÁN P,ŠVEC M,HAUPTVOGEL P.On the Coevolution of Transposable Elements and Plant Genomes[J].J Bot,2011,2011:1~9.
- [10] KALENDAR R,ANTONIUS K,SMYKAL P,et al.iPBS:a universal method for DNA fingerprinting and retrotransposon isolation [J]. Theor Appl Genet,2010,121(8):1419~1430.
- [11] SMYKAL P,BACOVA-KERTESZOVA N,KALENDAR R,et al. Genetic diversity of cultivated flax (*Linum usitatissimum* L.) germplasm assessed by retrotransposon-based markers[J]. Theor Appl Genet,2011,122(7):1385~1397.
- [12] GAILITE A,RUNCIS D.An initial investigation of the taxonomic status of *Saussurea estonica* Baer ex Rupr. utilising DNA markers and sequencing [J]. Plant Syst Evol,2012,298(5):913~919.
- [13] ANDEDEN E F,BALOCH F S,DERYA M,et al. iPBS-Retrotransposons-based genetic diversity and relationship among wild annual *Cicer* species [J]. Journal of Plant Biochem Biotechnol,2013,22(4):453~466.
- [14] SLOTKIN R K,NUTHIKATTU S,JIANG N.The impact of transposable elements on gene and genome evolution [M]//Plant Genome Diversity Volume 1. Vienna:Springer,2012;35~58.
- [15] CHENAIS B,CARUSO A,HIARD S,et al. The impact of transposable elements on eukaryotic genomes:from genome size increase to genetic adaptation to stressful environments[J]. Gene,2012,509(1):7~15.
- [16] BEGUIRISTAIN T,GRANDBASTIEN M A,PUIGDOMENECH P,et al. Three *Tnt1* subfamilies show different stress-associated patterns of expression in tobacco:consequences for retrotransposon, control and evolution in plants[J]. Plant Physiology,2001,127:212~221.
- [17] GABRIEL A,NCEKE J D.Retrotransposon revers transcription [M]//SKALKA A M,GOF S P.Reverse transcriptase. New York:Cold Spring Harbor Laboratory Press,Cold Spring Harbor N Y,1993:275~328.
- [18] PEAREE S R,KUMAR A,FLAVELL A J.Activation of the *Ty1-Copia* group retrotransposon of potato(*Solanum tuberosum*)during protoplast iso-
- [19] CATION[J]. Plant Cell Rep,1996,15(12):949~953.
- [20] KIMTRA Y,TOSA Y,SHIMADA S,et al. Nakayashiki,Maymna SOARES-1,a Ty1copia retrotransposon in oat activated by abiotic and biotic stresses [J]. Plant and Cell Physiology,2001,42(12):1345~1354.
- [21] OKAMOTO H,HIRECHIKA H.Eficient insertion mutagenesis of Arabidopsis by tissue culture-induced activation of the tobacco retrotransposon *Tto1*[J]. Plant Journal,2000,23 (2):291~304.
- [22] SAKAMOTO K,OHMIDO N,FUKUI K,et al. Site-specific accumulation of aline-like retrotransposon in a sex chromosome of the dioecious plant *Cannabis sativa*[J]. Plant Molecular Biology,2000,44(6):723~732.
- [23] TAKEDA S,SUGIMOTO K,OTSUKI H,et al. Transcriptional activation of the tobacco retrotransposon *Tto1* by wounding and methyl jasmonate[J]. Plant Molecular Biology,1998,36(3):365~376.
- [24] MHIRI C,DE WIT P J G M,GRANDBASTIEN M A. Activation of the promoter of the *Tnt1* retrotransposon in tomato after inoculation with the fungal pathogen *Cladosporium fulvum* Molecular[J]. Plant – Microbe Interactions,1999,12(7):592~603.
- [25] GRANDBASTIEN M A,LUCAS H,MOREL J B,et al. The expression of the tobacco *Tnt1* retrotransposon is linked to plant defense responses[J]. Genetica,1997,100(1/3):241~252.
- [26] BRGUIIRSTAIN T,GRANDBASTIEN M A,PUIGDOMENECH P,et al. Three *Tnt1* subfamilies show different stress associated patterns of expression in tobacco:Consequences for retrotransposon, control and evolution in plants[J]. Plant Physiology,2001,127:212~221.
- [27] YAO J L,DONG Y H,MORRIS BRETT A M. Parthenocarpic apple fruit production conferred by transposon insertion mutations in a MADS-box transcription factor[J]. Proc Natl Acad Sci USA,2001,98 (3):1360~1361.
- [28] 黄冰艳,吉万全,海燕,等.水稻组织培养中 *Tos17* 诱发体细胞无性系变异纯合体筛选技术初探[J].河南农业科学,2005(6):40~42.
- [29] HUO H,CONNER JA,OZIAS-AKINS P.Genetic mapping of the apoploy-specific genomic region in *Pennisetum squamulatum* using retrotransposon-based molecular markers[J]. Theor Appl Genet,2009,119:199~212.
- [30] TANHUAAPAA P,KALENDAR R,SCHULMAN AH,et al. The first doubled haploid linkage map for cultivated oat[J]. Genome,2008,51:560~569.
- [31] BELYAYEV A,KALENDAR R,BRODSKY L,et al. Transposable elements in a marginal plant population:temporal fluctuations provide new insights into genome evolution of wild diploid wheat[J]. Mol DNA,2010,1,6.
- [32] PETIT M,GUIDAT C,DANIEL J,et al. Mobilization of retrotransposons in synthetic allotetraploid tobacco[J]. New Phytol,2010,186:135~147.
- [33] KALENDAR R,GROB T,REGINA M,et al. IRAP and REMAP:two new retrotransposon-based DNA fingerprinting techniques [J]. Theor Appl Genet,1999,98:704~711.